

Table S3 - Pairwise distances of 11 species inferred from the mitochondrial genome

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
1. <i>E. eulophotes</i>													
2. <i>E. garzetta</i>	0.035												
3. <i>A. novaehollandiae</i>	0.059	0.066											
4. <i>N. nycticorax</i>	0.128	0.133	0.128										
5. <i>I. cinnamomeus</i>	0.142	0.148	0.144	0.153									
6. <i>P. leucorodia</i>	0.183	0.187	0.185	0.199	0.198								
7. <i>P. minor</i>	0.184	0.187	0.186	0.198	0.198	0.020							
8. <i>T. aethiopicus</i>	0.188	0.192	0.187	0.203	0.205	0.095	0.096						
9. <i>N. nippon</i>	0.185	0.189	0.184	0.203	0.198	0.115	0.116	0.117					
10. <i>C. boyciana</i>	0.174	0.180	0.177	0.188	0.191	0.169	0.171	0.174	0.171				
11. <i>C. ciconia</i>	0.177	0.181	0.179	0.190	0.192	0.169	0.172	0.174	0.171	0.026			
12. <i>A. platyrhynchos</i>	0.246	0.250	0.245	0.260	0.266	0.252	0.251	0.253	0.247	0.241	0.243		
13. <i>B. canadensis</i>	0.247	0.249	0.246	0.258	0.258	0.246	0.246	0.249	0.243	0.238	0.240	0.133	